

\LaTeX Kurs

Einheiten & Chemie

Sascha Frank

<https://www.latex-kurs.de/kurse/kurse.html>

Übersicht

Einheiten

siunitx

Chemie

chemfig

mhchem

Substances

Journal

chemsym

Literaturverzeichnis

SI-Einheiten

Paket

\usepackage{siunitx}

Inhalt

Zahlen und Einheiten in Form von Makros.

Befehle/Optionen

Wenige Befehle, aber sehr viele Optionen.

lokal / global

Die Optionen können lokal und global verwendet werden.

Deutsch

Sprache

```
\documentclass[ngerman]{article}
\usepackage{babel}
...
\usepackage{siunitx}
```

Kommazahlen

```
...
\usepackage{siunitx}
\sisetup{locale = DE, ...}
...
```

Befehle

```
\num[Optionen]{Zahl}
\numlist[Optionen]{Zahl;Zahl;Zahl}
\numrange[Optionen]{Zahl Anfang}{Zahl Ende}

\si[Optionen]{Einheit}
\SI[Optionen]{Zahl}[per-Einheit]{Einheit}
\SIfloat[Optionen]{Zahlen}{Einheit}
\SIrange[Optionen]{Zahl Anfang}{Zahl Ende}{Einheit}

\ang[Optionen]{Winkel}
\ang[Optionen]{Grad;Minuten;Sekunden}

\tablenum[Optionen]{Zahl}
```

Befehle I

Zahlen

```
\num{123,45}  
\numlist{12; 34; 5,6; 7.8}  
\numrange{1}{10}
```

Einheiten

```
\si{\newton}  
\SI{1}{\newton}  
\SIfloat{1;3;5;7}{\newton}  
\SIrange{1}{7}{\newton}
```

Winkel

```
\ang{47.99} oder \ang{47;59;43}
```

Befehle Ausgabe I

Zahlen

123,45

12, 34, 5,6 und 7,8

1 bis 10

Einheiten

N

1 N

1 N, 3 N, 5 N und 7 N

1 N bis 7 N

Winkel

47,99° oder 47°59'43''

Befehle II

Optionen

```
\sisetup{locale = DE, Option 2, ...}
```

Tabellen

S-Spalten Zahlen

```
\tablenum{Zahl}
```

```
\begin{tabular}{S1}
{Zahlen} & Einheiten \\
1.234 & \unit{\km} \\
23e5 & \unit{\meter\squared} \\
e1 & \unit{\m} \\
-1234 & \unit{\V} \\
\end{tabular}
```

Befehle Ausgabe II

Optionen

```
\num{123,45} \num{123.45}  
123,45 123,45
```

Tabellen

Zahlen	Einheiten
1,234	km
$23 \cdot 10^5$	m^2
10^1	m
-1234	V

Einheiten

Einheiten

SI-Einheiten, abgeleitete Einheiten und teilweise Nicht SI-Einheiten bereits vorhanden. Ebenso wie die SI-Präfixe.

SI Basisgrößen			
Bezeichnung	Einheit	Makro	Ausgabe
Länge	Meter	\metre	m
Massa	Kilogramm	\kilogram	kg
Zeit	Sekunde	\second	s
Stromstärke	Ampere	\ampere	A
Temperatur	Kelvin	\kelvin	K
Stoffmenge	Mol	\mole	mol
Lichtstärke	Candela	\candela	cd

Neue Einheiten

Befehl

```
\DeclareSIUnit\makro{Einheit}  
\DeclareSIUnit\franklin{Fr}
```

Präambel

Definition in der Präambel.

input Variante

Alternativ in einer separaten tex Datei.

Präambel

In der Präambel

```
%...  
\usepackage{siunitx}  
\sisetup{locale = DE,...}  
\DeclareSIUnit\parsec{pc}  
%...  
\DeclareSIUnit\lightyear{ly}  
%...  
\begin{document}
```

Nach ...

\usepackage{siunitx} und **vor** \begin{document}

Input Variante

Name

Egal – abgesehen von bereits benutzten.

Aufbau & Inhalt

```
\DeclareSIUnit\parsec{pc}
%...
\DeclareSIUnit\lightyear{ly}
```

Einbinden

Nach `\usepackage{siunitx}` und **vor** `\begin{document}`

```
%...
\usepackage{siunitx}
%...
\input{MeineEinheiten}
%...
\begin{document}
```

Chemie Pakete

- ▶ Chemfig
- ▶ Mhchem
- ▶ Substances
- ▶ Chemsym

Chemfig

Paket

chemfig

Einbinden

```
\usepackage{chemfig}
```

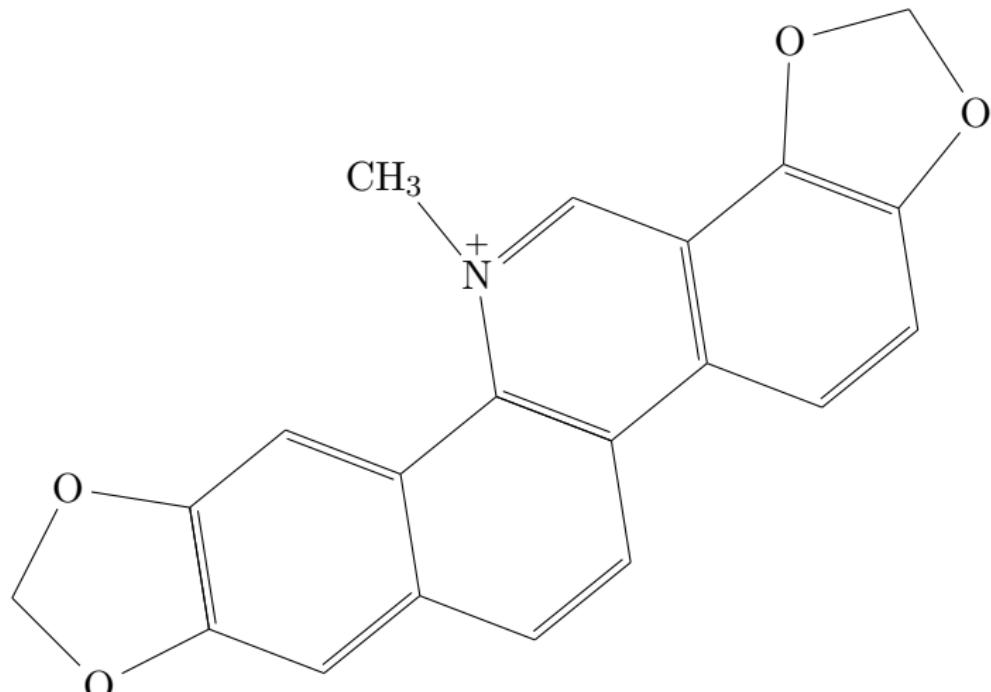
TikZ

Aktuelle TikZ Version

Befehl

```
\chemfig[Options]{Code}
```

Beispiel



Sanguinarine

Der chemfig Befehl

Befehl

```
\chemfig[Liste von Key=Value Paaren]{Molekül-Code}
```

Anpassungen

```
\chemfig[<Option1>, <Option2>]{<Code>}
```

Was kann geändert werden?

```
\chemfig[Linie und Knoten]{<Code>}
```

Wie?

Breite, Farbe, Typ, Skalierung, Drehung, etc..

Bindungstypen

<code>\chemfig{A-B}</code>	A —— B
<code>\chemfig{A=B}</code>	A == B
<code>\chemfig{A^B}</code>	A ≡ B
<code>\chemfig{A>B}</code>	A ▶ B
<code>\chemfig{A<B}</code>	A ▶ B
<code>\chemfig{A>:B}</code>	A ... B
<code>\chemfig{A<:B}</code>	A B
<code>\chemfig{A> B}</code>	A △ B
<code>\chemfig{A< B}</code>	A ▲ B

Einstellungen für Abstände

Einstellungen

\setchemfig{<Key=Value>}

double bond sep

vertikaler Abstand bei 2- und 3-fach Bindung (Default 2pt)

atom sep

horizontaler Abstand zwischen zwei Elementen (Default 3em)

bond offset

horizontaler Abstand zwischen Element und Bindung (Default 2pt)

Horizontaler Abstand verkleinern

\setchemfig{atom sep = 2em}

Default Werte

werden mit \resetchemfig wiederhergestellt.

Anpassungen der Bindungen

Befehl

```
\setchemfig{bond style = <code>}
```

Code Beispiele

line width=5pt und red

```
\setchemfig{bond style = {line width = 5pt, color=red}}
```

A — B vs. A — B

Default Werte

werden mit \resetchemfig wiederhergestellt.

Winkelanpassungen

Default Wert

45° Schritte

Verwendung

```
\chemfig{A-[Zahl 0 bis n]B}
```

Default Schritte

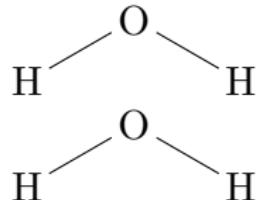
0	1	2	3	4	5	6	7	8	...
0°	45°	90°	135°	180°	225°	270°	315°	360°	...

Anpassung

```
\setchemfig{angle increment = Value}
```

Absolute und relative Winkel

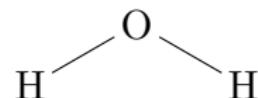
\chemfig{H-[:30]O-[:-30]H}



\chemfig{H-[:30]O-[:-60]H}

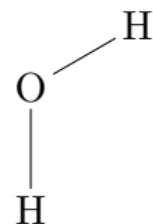
Drehung

\chemfig{[:60]H-[:30]O-[:-30]H}

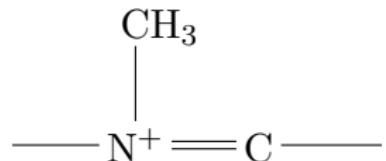
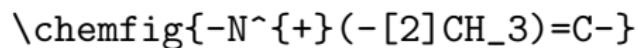
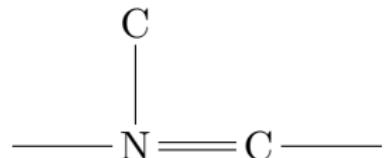
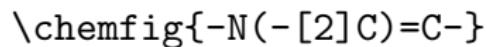


absolut vs. relativ

\chemfig{[:60]H-[:30]O-[:-60]H}



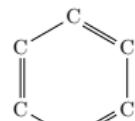
Abzweigungen



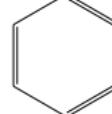
Ringe

<Atom>*<Anzahl>(<Code>)

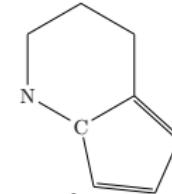
\chemfig{C*6(-C=C-C=C-C=)}



\chemfig{*6(-----)}



\chemfig{N*6(-C*5(---)---)}



\chemfig{**6(-----)}



Schemata und Beschriftungen

Schemata

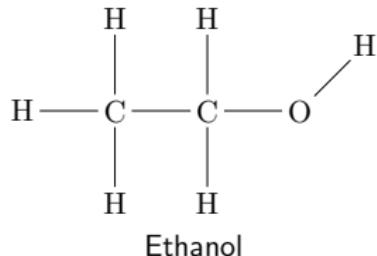
Innerhalb der zwei Befehle \schemestart und \schemestop

Beschriftung

\chemname[<Dim>]{\chemfig{<Code>}}{<Beschriftung>}

Beispiel

```
\schemestart
\chemname{\chemfig{H-C(-[2]H)(-[6]H)-C(-[2]H)(-[6]H)-O-[1]H}}{Ethanol}
\schemestop
```



Valenzstrichformeln & Elektronenformel

Aufbau

```
\chemfig{\charge{Zahl=\text{\texttt{|}}}{X}...}
```

Beispiel

```
\chemfig{\charge{45=\text{\texttt{|}} , 315=\text{\texttt{|}}}{X} X}
```

Überblick

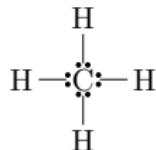
0 45 90 135 180 225 270 315

X| X^ \ \bar{X} ^{'}X |X \underline{X} \underline{X} X_{'}

Elektronenformel

```
\chemfig{\charge{Zahl=\text{\texttt{.}}}{X}...}
```

```
\chemfig{\charge{Zahl=\text{\texttt{:}}}{X}...}
```



Mhchem

Paket

mhchem

Einbinden

```
\usepackage{mhchem}  
\usepackage[version=4]{mhchem}  
\usepackage[version=4,arrows=pgf]{mhchem}
```

benutzt folgende Pakete

amsmath, calc, graphics, ifthen, keyval, pdf-texcmds, twoopt

Befehle

Elemente, Aggregatzustand, Isotope ...

Elemente & Co.

Elemente & Co.

\ce{Ag} und \ce{H2SO4}
Ag und H₂SO₄

Ladungen

\ce{Ag+} und \ce{HSO4-} Ag⁺ und HSO₄⁻
\ce{SO4^2-} und \ce{SO4^{2-}} SO₄²⁻ SO₄²⁻

Aggregat Zustand

\ce{H2SO4_{(aq)}} H₂SO_{4(aq)}
\ce{H2SO4(aq)} H₂SO_{4(aq)}

Oxidationsstufe

\ce{Fe^{II}Fe^{III}2O4} Fe^{II}Fe^{III}₂O₄

Isotope

Isotope

$\text{\ce{^{32}_{16}S}}$ und $\text{\ce{^{34}_{16}S}}$
 $^{32}_{16}\text{S}$ und $^{34}_{16}\text{S}$

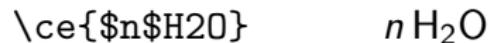
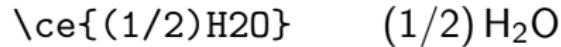
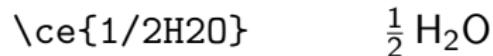
Mit Ladung

$\text{\ce{^{32}_{16}S+}}$ und $\text{\ce{^{34}_{16}S+}}$
 $^{32}_{16}\text{S}^+$ und $^{34}_{16}\text{S}^+$

ohne

$\text{\ce{^{0}_{-1}n^{-}}}$ und $\text{\ce{^{0}_{-1}n^{-}}}$
 $^0_{-1}\text{n}^-$ und $^0_{-1}\text{n}^-$

Stöchiometrie



Bindungen

Bindungen

\ce{A - B = C#D} A - B = C≡D

Mit Punkten

\ce{A\cdot\cdot\cdot B\cdot\cdot\cdot C} und

\ce{A\cdot\cdot\cdot\cdot\cdot B\cdot\cdot\cdot\cdot\cdot C\cdot\cdot\cdot\cdot\cdot D}

A··B··C und A···B···C··D

\ce{A\cdot\cdot\cdot\cdot\cdot B\cdot\cdot\cdot\cdot\cdot C} A···B···C

Mit Pfeilen

\ce{A\rightarrow B\leftarrow C} A→B←C

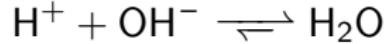
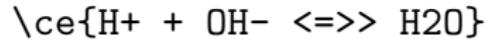
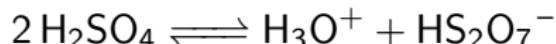
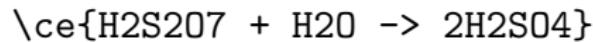
Aussehen

\sffamily\bfseries\ce{A - B = C#D}

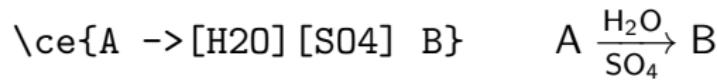
A - B = C≡D

Reaktionen

Reaktionen

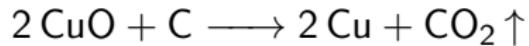
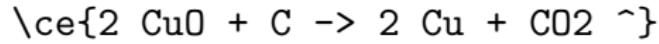
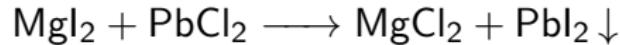
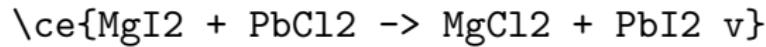


Reaktionspfeile



Fällung und Ausgasen

Fällung und Gasentstehung



Chemie in Text & Mathe

Elemente & Co.

$\text{\ce{Ag}}$ und $\text{\ce{H2SO4}}$ Ag und H_2SO_4
 $\$ \text{\ce{Ag}} \$$ und $\$ \text{\ce{H2SO4}} \$$ Ag und H_2SO_4

Schrift ändern

```
\mhchemoptions{textfontcommand=\sffamily}  
\mhchemoptions{mathfontcommand=\mathsf}
```

Elemente & Co.

$\text{\ce{Ag}}$ und $\text{\ce{H2SO4}}$ Ag und H_2SO_4
 $\$ \text{\ce{Ag}} \$$ und $\$ \text{\ce{H2SO4}} \$$ Ag und H_2SO_4

substances

Paket

\usepackage{substances}

Inhalt

Ermöglicht das

- ▶ erstellen
- ▶ einbinden und
- ▶ auslesen

einer Datenbank von chemischen Substanzen

weitere Pakete

Bindet weitere Pakete ein u.a. chemfig und ghsystem

Datenbank

Einbinden

```
\LoadSubstances{Name_der_Datenbank}
```

Default Datenbank

```
\LoadSubstances{substances-examples}
```

Eintrag

```
\DeclareSubstance{KCl}{  
    name      = Potassium|chloride ,  
    sort      = Potassiumchloride ,  
    formula   = KCl ,  
    CAS       = 7447-40-7,  
    mass      = 74.55 ,  
    mp        = 773 ,  
    bp        = 1413 ,  
    phase     = solid ,  
    density   = 1.98  
}
```

Kompletausgabe Quellcode

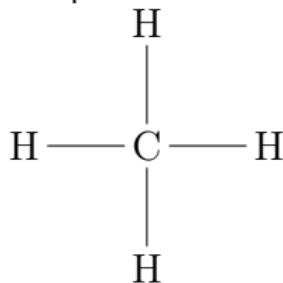
```
\begin{table}[htp] \centering \ghssetup{hide}
\sisetup{scientific-notation=fixed,fixed-exponent=0,
per-mode=symbol}
\begin{tabular}{l>{\raggedright\arraybackslash}p{.6\linewidth}}
\toprule
name & \chem{KCl} \\
formula & \chem{KCl}[formula] \\
\midrule
\textbf{CAS} & \chem{KCl}[CAS] \\
\midrule
boiling point & \chem{KCl}[bp] \\
melting point & \chem{KCl}[mp] \\
density & \chem{KCl}[density] \\
molar mass & \chem{KCl}[mass] \\
\bottomrule
\end{tabular}
\caption{Alle Eigenschaften von \chem{KCl} aus der Datenbank.}
\end{table}
```

name	Potassiumchloride
formula	KCl
CAS	7447-40-7
boiling point	1413 °C
melting point	773 °C
density	1.98 g/cm ³
molar mass	74.55 g/mol

Tabelle: Alle Eigenschaften von Potassiumchloride aus der Datenbank.

Tabellenbeispiel

name	Methane
formula	CH_4



...



H statements H220

P statements P210, P377, P381, P410 + P403

Hinweise

Datenbank

Am besten die beiliegen Datenbank verwenden und erweitern...

Fehler beim Einbinden

Runaway argument?

```
{\AssignTemplateKeys \bool_if:nTF {\l_substances_index_alternative_nam  
ETC.
```

```
! Forbidden control sequence found while scanning use of \DeclareTempl  
<inserted text>
```

```
\par
```

```
1.400 ... \substances_index:nx { \c_job_name_tl
```

```
-chem }
```

Lösung

bitbucket.org/cgnieder/substances/pull-requests/2/changed-deprecated-c_job_name_tl-to/diff

Hinweise forts.

Fehler beim Einbinden

```
l.669 \chemmacros_load_module:n  
                                {nomenclature}
```

Lösung

```
\documentclass{article}  
%...  
\ExplSyntaxOn  
\cs_new:Npn \chemmacros_load_module:n #1 {}  
\ExplSyntaxOff  
%...  
\usepackage{substances}  
%...  
\begin{document}  
%...
```

chemsym

Einbinden

```
\usepackage[Optionen]{chemstyle}
```

Optionen setzen

Entweder beim Einbinden oder per \cstsetup{...} Befehl.

andere Pakete

graphicx, varioref, cleveref, notes2bib ...

cleveref verwenden

```
\usepackage[varioref=false]{chemstyle}
```

Optionen anderer Pakete

graphicx und varioref vor chemstyle laden

Journale

Journal Style setzen

```
\usepackage[journal=Style]{chemstyle}
```

Style	Journal
angew	Angew. Chem., Chem. Eur. J.
jomc	J. Organomet. Chem., Coord. Chem. Rev.
ic	Inorg. Chem.
jacs	J. Am. Chem. Soc.
jcp	J. Phys. Chem. A, J. Phys. Chem. B
orglett	Org. Lett.
rsc	Chem. Commun., Org. Biomol. Chem. Dalton Trans.
tetlett	Tetrahedron, Tetrahedron Lett.

Slunitx Erweiterung

Extra Einheiten

\SI{1}{\cmc} 1 cm³

\SI{1}{\Hz} 1 Hz

\SI{1}{\molar} 1 mol dm⁻³

\SI{1}{\Molar} 1 M

\SI{1}{\mmHg} 1 mmHg

Phrasen

Eingabe	Ausgabe
\eg	e.g.
\etal	<i>et al.</i>
\etc	<i>etc.</i>
\ie	<i>i.e.</i>
\invacuo	<i>in vacuo</i>
\latin{kursiver Text}	<i>kursiver Text</i>

weitere Möglichkeiten

nicht kursiv mit \cstsetup{abbremph=false} und
ein zusätzliches Komma mit \cstsetup{abbrcomma=true}

Hinweis

Im Fall, dass der Text nach der Abkürzung (*etc.* bzw. *et al.*) weitergeht muss ein Leerzeichen entweder mit »\ « oder mit »_« angefügt werden.

Scheme

weiteres Gleitobjekt

```
\begin{scheme}[Ausrichtung]
\includegraphics{chem_bild}
\caption{Unterschrift}
\end{scheme}
```

weitere Befehle

```
\renewcommand*{\schemename}{Neuer Name}
\listofschemes Verzeichnis erstellen
\listschemename Wie das Verzeichnis heißt
```

Achtung die Beschriftung der floats ist immer oben!

Wenn Änderung gewünscht, dann

```
\floatsetup[table]{style=plain}
```

Literaturverzeichnis

Ungefähr ein Viertel des menschlichen Genoms codiert für Enzyme.^[1] Und was ich noch sagen wollte^[1,2,3]

Ausgabe

- [1] J. M. Berg, J. L. Tymoczko, G. J. Gatto, L. Stryer, *Stryer Biochemie*, Springer Spektrum, 8th ed.
- [2] S. Oh, S. Shin, R. Janknecht *1871*, 406–418.
- [3] A. G. Cridge, C. Crowe-McAuliffe, S. F. Mathew, W. P. Tate *46*, 1927–1944.

Quellcode

Im Header

```
\documentclass{article}
%...
\usepackage[super,comma,numbers,square,sort]{natbib}
\usepackage{mciteplus}
%...
\begin{document}
```

Im Body

```
\begin{document}
%...
Enzyme.\cite{berg} Und was ich noch sagen wollte \cite{berg,
oh_small_2019,cridge_eukaryotic_2018}
%...
\bibliographystyle{angew}
\bibliography{Literatur2}
\end{document}
```

Literaturverzeichnis Version 2

Ungefähr ein Viertel des menschlichen Genoms codiert für Enzyme.^[1] Und was ich noch sagen wollte^[1–3]

Ausgabe

- [1] J. M. Berg, J. L. Tymoczko, G. J. Gatto, L. Stryer, *Stryer Biochemie*, Springer Spektrum, 8th ed.
- [2] S. Oh, S. Shin, R. Janknecht *1871*, 406–418.
- [3] A. G. Cridge, C. Crowe-McAuliffe, S. F. Mathew, W. P. Tate *46*, 1927–1944.

Quellcode

Im Header

```
\documentclass{article}
%...
\usepackage[super,comma,numbers,square,sort&compress]{natbib}
\usepackage{mciteplus}
%...
\begin{document}
```

Im Body

```
\begin{document}
%...
Enzyme.\cite{berg} Und was ich noch sagen wollte \cite{berg,
oh_small_2019,cridge_eukaryotic_2018}
%...
\bibliographystyle{angew}
\bibliography{Literatur2}
\end{document}
```